

2026 大湾区（广东）农业科技论坛



20 周年

国际花生基因组与生物技术大会

AAGB-2026

*20th Anniversary, The 14th International Peanut Conference on
Advances in Arachis through Genomics and Biotechnology*

最后一轮通知 | Final Announcement

广东省
作物学会



THE PEANUT
RESEARCH
FOUNDATION



Nikon



科朋仪器
Friend of Scientists



托普云农



MOL
BREEDING

锐竞信息



Agilent



百奥云
BioBin Data



会议背景

2026 年是国际花生基因组与生物技术大会 (Advances in Arachis through Genomics and Biotechnology, AAGB) 创办 20 周年。自 2006 年首届会议召开以来, AAGB 大会已先后在全球各地成功举办, 持续为全球花生基因组学与生物技术领域专家学者搭建高水平、专业化的国际学术交流与合作平台, 对推动花生科技创新与产业发展发挥了重要作用。

为纪念这一重要里程碑, **20 周年国际花生基因组与生物技术大会 (AAGB-2026)** 将于 **2026 年 11 月 9 日至 13 日** 在中国**广州**召开。本次大会作为 2026 年大湾区 (广东) 农业科技论坛的重要组成部分, 将由广东省作物学会 (CSSGD) 和美国花生研究基金会 (TPRF) 联合主办, 广东省农业科学院作物研究所 (GDAAS-CRI) 承办。广东作为华南地区最大的花生主产区, 年种植面积超过 500 万亩 (约 33.3 万公顷), 产业基础扎实, 科研优势明显, 为本次大会举办提供了良好的产业支撑和学术环境。

本次大会预计将汇聚来自 30 多个国家的 200 余位专家学者, 通过大会报告、特邀报告、专题交流、青年学者论坛、墙报展示等多种形式, 围绕花生基因组与生物技术前沿进展开展深入研讨, 共同推动全球花生产业科研交流与合作。

会议概况

会议时间: 2026 年 11 月 9-13 日

会议地点: 广州长隆国际会展中心

会议语言: 英语

会议官网: <https://aagb2026.scievent.com/>

组织架构

1. 主办与承办单位

主办单位:

广东省作物学会、美国花生研究基金会

承办单位:

广东省农业科学院作物研究所



大会主席

大会主席：

邓诣群 Yiqun Deng 广东省农业科学院 党委书记

朱立学 Lixue Zhu 广东省农业科学院 院长

副主席：

曾继吾 Jiwu Zeng 广东省农业科学院 副院长

易干军 Ganjun Yi 广东省农业科学院 研究员

陈小平 Xiaoping Chen 广东省农业科学院作物研究所 研究员

组织委员会

主席：陈小平 Xiaoping Chen（广东省农业科学院作物研究所，中国）

联合主席：

张新友 Xinyou Zhang（河南省农业科学院，中国）

万书波 Shubo Wan（山东省农业科学院，中国）

Keith Rucker（The Peanut Research Foundation, USA）

Rajeev K. Varshney（Murdoch University, Australia）

万勇善 Yongshan Wan（山东农业大学，中国）

秘书：

Josh Clevenger（HudsonAlpha Institute for Biotechnology, USA）

洪彦彬 Yanbin Hong（广东省农业科学院作物研究所，中国）

鲁清 Qing Lu（广东省农业科学院作物研究所，中国）

委员（按姓氏首字母排序）：

David J. Bertoli、陈一舞 Charles Chen、Jake Fountain、雷永 Yong Lei、梁炫强 Xuanqiang Liang、廖伯寿 Boshou Liao、Peggy Ozias-Akins、Manish K. Pandey、单世华 Shihua Shan、石爱民 Aimin Shi、唐荣华 Ronghua Tang、Le Duc Thao、Ethan Thompson、王强 Qiang Wang、王兴军 Xingjun Wang、殷冬梅 Dongmei Yin、郑峥 Zheng Zheng、庄伟建 Weijian Zhuang



学术委员会

主席：张新友 Xinyou Zhang (河南省农业科学院, 中国)

副主席：

万书波 Shubo Wan (山东省农业科学院, 中国)

Keith Rucker (The Peanut Research Foundation, USA)

Rajeev K. Varshney (Murdoch University, Australia)

万勇善 Yongshan Wan (山东农业大学, 中国)

委员 (按姓氏首字母排序)：

David J. Bertoli、Josh Clevenger、雷永 Yong Lei、梁炫强 Xuanqiang Liang、廖伯寿 Boshou Liao、Sanusi Gaya Mohammed、Peggy Ozias-Akins、Manish K. Pandey、单世华 Shihua Shan、石爱民 Aimin Shi、唐荣华 Ronghua Tang、Le Duc Thao、王强 Qiang Wang、王兴军 Xingjun Wang、殷冬梅 Dongmei Yin、郑峥 Zheng Zheng、庄伟建 Weijian Zhuang

■ 大会议程

11月9日 (Day 0) :

时间	日程
14:00-18:00	参会嘉宾报到
18:30-20:30	晚餐

11月10日 (Day 1) 上午:

Session I ·大湾区论坛开幕式

地点: 长隆国际会展中心 A 厅

Session II ·大湾区论坛主旨报告

地点: 长隆国际会展中心 A 厅

时间	报告题目	报告人
10:00-10:30	Research Progress in Smart Agriculture in China	罗锡文, 华南农业大学
10:30-11:00	待定	张新友, 河南省农业科学院
11:00-11:30	Greening Phosphate (The Sustainable Future of Phosphate Resources)	Roland Bol, 亥姆霍兹联合会于利希研究中心
11:30-12:00	Climate-Resilient Crop Design and Intelligent Robotic Breeding	许操, 中国科学院遗传发育所
12:00-12:30	待定	谷晓峰, 中国农业科学院
12:30-14:00	午餐	



11月10日 (Day 1) 下午:

Session III · AAGB 主旨报告 (召集人: 陈小平)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
14:00-14:30	Technology innovation and application of peanut cake protein processing characteristics improvement and cascade utilization	王强，中国农业科学院农产品加工研究所	陈小平
14:30-15:00	Going (pea)nuts: Peanut genomics from variation maps, T2T genomes to breeding	殷冬梅，河南农业大学	
15:00-15:30	Peanut agronomic trait mapping and gene mining	王兴军，山东省农业科学院	
15:30-16:00	Peanut breeding after the genomic era	郑峥，河南省农业科学院	
16:30-17:00	Advances in the genetic basis of quality traits and breeding of high-quality special-purpose peanut varieties	雷永，中国农业科学院油料作物研究所	
17:30-18:00	Deciphering salt and drought resistance in peanut: From gene discovery to practical breeding	陈静，山东省花生研究所	
18:30-20:00	晚餐		

11月11日 (Day 2) 上午:

Session IV · 基因组与进化方向 (召集人: 殷冬梅)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
08:00-08:20	From genomes to pangenomes: a collaborative journey in peanut improvement with China	Rajeev K. Varshney, 莫道克大学	殷冬梅
08:20-08:40	Towards soybean molecular breeding	田志喜, 中国科学院遗传与发育生物学研究所	
08:40-09:00	Molecular mechanisms of peanut- <i>Ralstonia solanacearum</i> effector interactions in resistance to bacterial wilt	庄伟建, 福建农林大学	
09:00-09:20	Pangenome-Guided Discovery and Utilization of Peanut Germplasm Resources	李国卫, 山东省农业科学院	庄伟建
09:20-09:40	T2T genome assemblies facilitate peanut agronomic trait improvement	刘晓芹, 北京大学现代农业研究院	
09:40-10:00	Integrated PacBio HiFi and Nanopore sequencing enables high-quality nuclear and mitochondrial genome assembly in peanut	王晓波, 河南省农业科学院	

Session V · 性状定位与基因发掘方向 (召集人: 王兴军)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
10:00-10:20	From genetic dissection to field application: Uncovering the genetic basis of oil content and breeding of high-oil peanut varieties	万勇善, 山东农业大学	王兴军
10:20-10:40	How evolutionary history set in motion peanut's genetic adventure	David J. Bertioli, 佐治亚大学	
10:40-11:00	Mapping, functional identification and breeding utilization of peanut <i>AhRt</i> gene for improving seed anthocyanin accumulation	赵传志, 山东省农业科学院	
11:00-11:20	Phenotypic identification, genetic mapping and germplasm utilization of bacterial wilt resistance in groundnut	罗怀勇, 中国农业科学院油料作物研究所	淮东欣
11:20-11:40	Discovery and functional validation of key regulators governing pod size in peanut	赵昆昆, 河南农业大学	
11:40-12:00	Progress on peanut genomics research and breeding application at CRI-GDAAS	鲁清, 广东省农业科学院	
12:00-14:00	午餐		

11月11日 (Day 2) 下午:

Session VI ·基因组编辑与前沿技术方向 (召集人: 郑峥)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
14:00-14:20	Genomic selection-driven varietal development transforming end to end groundnut commodity chain in India	Sandip Kumar Bera, 印度花生研究所	郑峥
14:20-14:40	Development of novel transgene-free high-oleic peanuts through CRISPR-Cas9 mediated gene editing of two <i>AhFAD2</i> homologues	石磊, 河南省农业科学院	
14:40-15:00	Genetic transformation and genome editing technologies for enhancing quality and stress resistance in peanut	淮东欣, 中国农业科学院油料作物研究所	
15:00-15:20	Peanut single-nucleus transcriptome atlas reveals gene expression heterogeneity during cell development	刘浩, 广东省农业科学院	赵传志
15:20-15:40	Integrated optimization of somatic embryogenesis and genetic transformation reveals <i>ATS3B</i> as a key regulator of somatic embryo morphogenesis in peanut	李晓云, 华南师范大学	
15:40-16:00	Telomere-to-telomere genome assembly of the elite peanut cultivar Yuhua 15 identifies <i>YABBY</i> as a key regulator of pod and seed size	孙子淇, 河南省农业科学院	

Session VII ·育种与绿色高效栽培方向 (召集人: 雷永)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
16:00-16:20	Regulatory theory and techniques for high-efficiency nitrogen utilization throughout the peanut growth cycle	万书波, 山东省农业科学院	雷永
16:20-16:40	Crop design—integration of synthetic biology with plant breeding	Scott Allen Jackson, 佐治亚大学	
16:40-17:00	The improvement and promotion of peanut in saline-alkali land	迟晓元, 山东省花生研究所	
17:00-17:20	Harnessing translational genomics and pre-breeding to build climate-resilient groundnuts	Manish K. Pandey, 国际半干旱热带作物研究所	韩锁义
17:20-17:40	The mechanism of sugarcane-peanut intercropping in alleviating peanut bacterial wilt	唐秀梅, 广西农业科学院	
17:40-18:00	Drip irrigation and fertilization strategies shape soil bacterial community and nutrient utilization in summer peanut	刘娟, 河南省农业科学院	
18:00-20:00	晚餐		

11月12日 (Day 3) 上午:

Session VIII · 生物与非生物胁迫抗性方向 (召集人: 单世华)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
08:00-08:20	Identification of candidate genes associated with leaf size in peanut (<i>Arachis hypogaea</i> L.)	韩锁义, 河南省农业科学院	单世华
08:20-08:40	Accelerating genetic gain in African groundnut improvement through genomics-enabled selection, quality assurance, and multi-environment evaluation	Happy Makuru Daudi, 国际玉米小麦改良中心	
08:40-09:00	Analysis of genetic diversity and functional gene discovery for cold tolerance in groundnut	王欣, 中国农业科学院油料作物研究所	
09:00-09:20	Development of high-oil, salt-tolerant germplasms and breeding of new varieties in peanut	乔利仙, 青岛农业大学	罗怀勇
09:20-09:40	Deciphering flavonoid-mediated stress responses and biological mitigation strategies in peanut (<i>Arachis hypogaea</i> L.)	Rabia Amir, 伊斯兰堡国立科技大学	
09:40-10:00	QTL mapping and genetic dissection of key agronomic traits in peanut domestication and breeding	陈光辉, 山东省花生研究所	

Session IX · 加工与产业应用方向 (召集人: 石爱民)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
10:00-10:20	Processing-induced interfacial remodeling of peanut oil body emulsions: Mechanisms regulating hydrophobic bioactive delivery	陈复生, 河南工业大学	石爱民
10:20-10:40	Impacts of cold plasma with ultrasonic treatment on the structure, functional property and allergenicity of peanut proteins	王进, 东南大学	
10:40-11:00	Advances in dietary lipids and human health	李铎, 青岛大学	
11:00-11:20	The impact of food processing on the allergenicity of peanut proteins	陈红兵, 南昌大学	王进
11:20-11:40	Sustainable production of fragrant peanut oil through bio-modulation of precursor formation for flavor intensification	徐学兵, 益海嘉里（上海）生物技术研发中心	
11:40-12:00	Moderate processing of peanut oil & full-chain high-value utilization	张明华, 山东金胜集团	
12:00-14:00	午餐		

11月12日 (Day 3) 下午:

Session X · 青年学者论坛 (召集人: 鲁清)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅

时间	报告题目	报告人	主持人
14:00-14:15	A flexible genotyping platform for peanut breeding	张惠媛, 博瑞迪生物	余倩霞
14:15-14:30	Genipin-crosslinked okara nanocellulose-peanut protein conjugates for improved emulsification and <i>Lactiplantibacillus plantarum</i> protection	于淼, 辽宁省农业科学院	
14:30-14:45	Peanut product development and primary processing equipment creation	王明清, 山东省花生研究所	
14:45-15:00	Elucidating flavor formation molecular mechanisms in peanut roasting through multi-omics analysis	向飞, 中国农业科学院农产品加工研究所	
15:00-15:15	Alternative splicing mediated by a G-box variant in the <i>AhWRI1a</i> promoter confers quantitative regulation of seed oil biosynthesis in peanut	余倩霞, 广东省农业科学院	王明清
15:15-15:30	A unique COPII regulator mediates ER-to-symbiosome trafficking essential for nitrogen-fixing symbiosis in peanut	郑召, 华南师范大学	
15:30-15:45	Fine mapping of <i>qDPA07.1</i> and candidate gene identification for pod rot resistance in peanut (<i>Arachis hypogaea</i> L.)	李星, 山东农业大学	
15:45-16:00	Genetic basis and identification of key genes underlying high-latitude adaptation in peanut	钟超, 沈阳农业大学	
16:00-16:15	Evaluation of phosphorus efficiency and mining of key regulatory genes in peanut germplasm	赵立宸, 山东农业大学	钟超
16:15-16:30	Mechanisms and oviposition preferences of <i>plodia interpunctella</i> on different peanut varieties	王晨, 河南工业大学	
16:30-16:45	Deciphering the low-calcium response in peanut roots via single-cell RNA-seq and ATAC-seq	杨泽茂, 湖南农业大学	
16:45-17:00	Natural variation in <i>AhRAV1</i> reveals a negative regulatory mechanism of seed size in peanut	Muhammad Jawad Umer, 广东省农业科学院	

Session XI · AAGB 发展论坛暨国际协作网项目启动会 (17:00-17:50)

地点: 长隆国际会展中心长隆厅 · 主持人: 陈小平

17:50-18:00	闭幕式
18:00-20:00	晚餐

会议签到及住宿

报到地点：广州长隆酒店

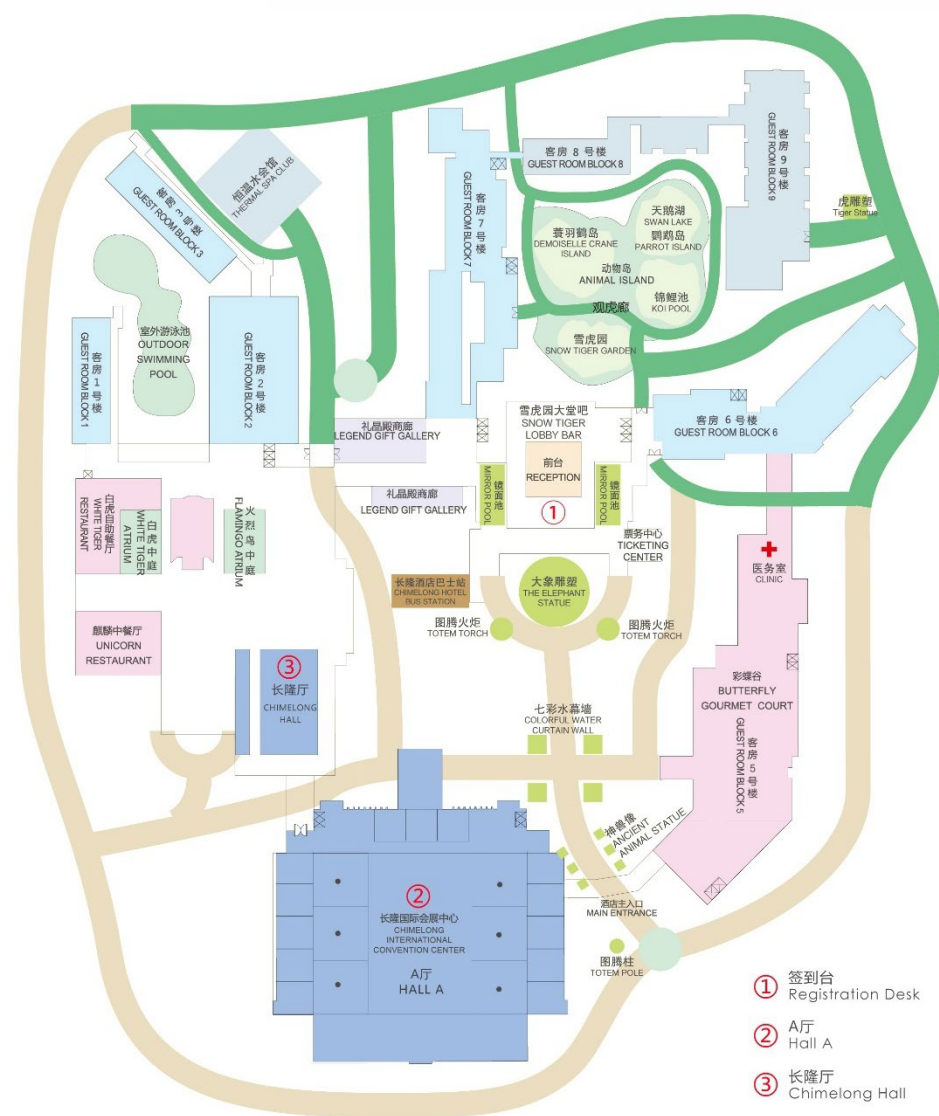
酒店地址：广州市番禺区汉溪大道东 299 号（长隆国际会展中心旁）

单人间：¥450/晚 含早餐

注：大会已为参会嘉宾在会议酒店预留房间，**无需提前预订。**

签到后直接前往酒店前台，告知您是“AAGB-2026”的参会嘉宾即可以协议价办理入住。

会场地图



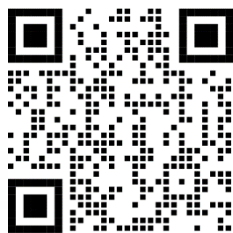
注册及缴费

1. 注册方式

(1) 线上注册

点击注册网址：<https://aagb2026.scievent.com/register.html>

或扫描下方二维码进行注册及缴费



注册开放日期：2026 年 4 月 3 日—10 月 31 日

(2) 现场注册

线上注册通道关闭后，尚未注册的嘉宾可在会议期间前往大会报到处现场办理注册及缴费。

时间：2026 年 11 月 9 日 12:00-20:00; 11 月 10-12 日 9:00—17:00

地点：广州长隆酒店·大会报到处

2. 注册费标准

类别	标准价
在职代表	2,500 元
学生	1,500 元

注：1) 学生代表注册时需有效学生证；2) 注册费不包含住宿或交通费用。

3. 缴费与发票

1. 以上收费标准以实际付款时间为准。
2. 缴费方式：支持在线支付（推荐）、银行汇款及现场缴费。完成注册后，系统将根据参会人数生成订单（选择人民币支付时，建议切换至中文界面操作），请选择缴费方式并依据页面指引完成支付。
3. 发票领取：注册缴费后，会务组将于七个工作日内发放电子发票，可登录个人中心进行下载。

会议联络与参会回执

1. 会议微信群

为便于及时发布会议最新安排、日程调整及现场指引，本次大会特设 AAGB-2026 官方微信群。请参会嘉宾扫描下方二维码或点击链接入群，并在入群后将群昵称修改为“姓名-单位”格式（如“张三-广东省农业科学院作物研究所”）。

说明：

- 1) 本群仅用于会议期间的联络与通知，不作为注册渠道。注册仍须通过线上注册系统或现场办理。
- 2) 除微信外，嘉宾可访问 <https://aagb2026.scievent.com/notices.html> 获取全部重要通知。

2. 参会回执

请参会嘉宾扫描下方二维码或点击链接填写参会回执，提供抵离行程、接送需求及饮食禁忌等信息，以便会务组统筹安排餐饮、住宿及机场 / 高铁站接送事宜。

本表填写约需 2 分钟，一人一表。如需登记多位参会者，请提交后重新打开链接，为每一位分别填写。如行程有变，请重新提交，以最后一次填写为准。



会议微信群

请扫描二维码或点击下方链接：

<https://aagb2026.scievent.com/qr/30b87790ae6c43118f9424f389127a88>



参会回执填写

请扫描二维码或点击下方链接：

<https://aagb2026.scievent.com/xf/attend/submit/>

■ 联系方式

AAGB-2026 秘书处

电话: +86 020-85266858

手机: 13688891360 (鲁清)

邮箱: aagb2026@hotmail.com

会议官网: <https://aagb2026.scievent.com/>



我们诚挚邀请国内外相关领域科研人员、专家学者和科技工作者积极参会，共襄学术盛会，共谋创新发展！

AAGB-2026 组织委员会

2026 年 10 月